

AUTENTICAÇÃO DE LINHAGENS

Laudo do Perfil de STR's / STR Profile Report

INFORMAÇÃO DO CLIENTE / CUSTOMER INFORMATION

Nome / Name	IRAN AMORIM DA SILVA
Instituição / Institution	HCFMUSP
Departamento / Department	CIRURGIA
Telefone / Phone	1130617183
E-mail	iransilva@gmail.com

Nome da Linhagem / Cell line name	PC3 (ATCC CRL-1435)
--	---------------------

Amostra recebida em / Samples received in 00-00-0000	Data do laudo / Report date: 16-12-2019
---	--

Loci	Resultado do Teste / Test Result (amostra/sample)				Perfil da referência no Banco de Dados / Reference Database Profile			
	Perfil da Amostra / Query Profile PC3				Perfil da referência / Database Profile PC3 (ATCC CRL-1435)			
TH01	6	7			6	7		
TPOX	8	9			8	9		
vWA	17				17			
CSF1PO	11				11			
D16S539	11				11			
D7S820	8	11			8	11		
D13S317	11				11			
D5S818	13				13			
D21S11								
Amelogenin	x				x			
Número de alelos iguais entre a amostra e referência / Number of shared alleles between query sample and database profile:								12
Total de alelos na amostra referência / Total number of alleles in the database profile:								12
Porcentagem de correspondência entre alelos da amostra e da referência / Percent match between the submitted sample and the database profile:								100

RESULTADO / RESULT

Linhagens celulares com uma porcentagem de correspondência $\geq 80\%$ são consideradas relacionadas, ou seja, derivada de um ancestral comum. Linhagens com porcentagem de correspondência entre 55% e 80% necessitam de novos testes (maior número de marcadores) para confirmar sua autenticidade. / Cell lines with $\geq 80\%$ match are considered to be related; i.e., derived from a common ancestry. Cell lines with between a 55% to 80% match require further profiling for authentication of relatedness. (ATCC - STR Profile Report)

METODOLOGIA / METHODOLOGY

10 STR's, correspondendo aos loci TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin e D21S11 (GenePrint 10 / Promega), foram amplificados e submetidos à eletroforese capilar para separação dos fragmentos (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). Os dados foram analisados através do software XXX GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC). Controles positivos e negativos apropriados foram utilizados na validação de cada amostra. / 10 STR's (TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin and D21S11 - GenePrint 10 / Promega) are co-amplified and submitted to capillary electrophoresis (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). An internal lane standard (ILS) and allelic ladder are provided for sizing and genotyping of amplified fragments, and the 2800M Control DNA is supplied as a positive control (GenePrint 10 / Promega). Data is analyzed using software GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC).

INTERPRETAÇÃO DOS DADOS / INTERPRETATION OF DATA

Os resultados foram interpretados segundo as diretrizes do ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization) / Results were interpreted as described in ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization) / ATCC STR Profile Report

A linhagem enviada para análise é de origem humana, mas o seu perfil não corresponde a nenhuma linhagem padrão presente nos bancos de dados analisados / The submitted sample profile is of human origin, but not a match for any profile in the STR database

A linhagem enviada para análise corresponde exatamente à seguinte linhagem celular humana / The submitted profile is an exact match for the following human cell lines):

PC-3 Prostate Adenocarcinoma Human (ATCC:CRL-1435)

O perfil de marcadores da linhagem enviada é similar à(s) seguinte(s) linhagem(s) celular(es) humana(s) / The submitted profile is similar to the following ATCC human cell line(s):

OBSERVAÇÕES / Additional Comments

https://www.atcc.org/en/STR_Database.aspx

Responsável Técnico: Christian Albert Merkel

Email: c.merkel@fm.usp.br

AUTENTICAÇÃO DE LINHAGENS

Laudo do Perfil de STR's / STR Profile Report

INFORMAÇÃO DO CLIENTE / CUSTOMER INFORMATION

Nome / Name	IRAN AMORIM DA SILVA
Instituição / Institution	HCFMUSP
Departamento / Department	CIRURGIA
Telefone / Phone	1130617183
E-mail	iransilva@gmail.com

Nome da Linhagem / Cell line name	LNCaP (ATCC CRL-1740)
--	-----------------------

Amostra recebida em / Samples received in 00-00-0000	Data do laudo / Report date: 16-12-2019
---	--

Loci	Resultado do Teste / Test Result (amostra/sample)				Perfil da referência no Banco de Dados / Reference Database Profile				
	Perfil da Amostra / Query Profile LNCaP				Perfil da referência / Database Profile LNCaP clone FGC (ATCC:CRL-1740)				
TH01	9				9				
TPOX	8	9			8	9			
vWA	16	18			16	18			
CSF1PO	10	11			10	11			
D16S539	10	11			11				
D7S820	8	9	9.1	10.3	9	9.1	10.3		
D13S317	10	12			10	12			
D5S818	10	11	12		11	12			
D21S11									
Amelogenin	x	y			x	y			
Número de alelos iguais entre a amostra e referência / Number of shared alleles between query sample and database profile:									17
Total de alelos na amostra referência / Total number of alleles in the database profile:									17
Porcentagem de correspondência entre alelos da amostra e da referência / Percent match between the submitted sample and the database profile:									100

RESULTADO / RESULT

Linhagens celulares com uma porcentagem de correspondência $\geq 80\%$ são consideradas relacionadas, ou seja, derivada de um ancestral comum. Linhagens com porcentagem de correspondência entre 55% e 80% necessitam de novos testes (maior número de marcadores) para confirmar sua autenticidade. / Cell lines with $\geq 80\%$ match are considered to be related; i.e., derived from a common ancestry. Cell lines with between a 55% to 80% match require further profiling for authentication of relatedness. (ATCC - STR Profile Report)

METODOLOGIA / METHODOLOGY

10 STR's, correspondendo aos loci TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin e D21S11 (GenePrint 10 / Promega), foram amplificados e submetidos à eletroforese capilar para separação dos fragmentos (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). Os dados foram analisados através do software XXX GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC). Controles positivos e negativos apropriados foram utilizados na validação de cada amostra. / 10 STR's (TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin and D21S11 - GenePrint 10 / Promega) are co-amplified and submitted to capillary electrophoresis (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). An internal lane standard (ILS) and allelic ladder are provided for sizing and genotyping of amplified fragments, and the 2800M Control DNA is supplied as a positive control (GenePrint 10 / Promega). Data is analyzed using software GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC).

INTERPRETAÇÃO DOS DADOS / INTERPRETATION OF DATA

Os resultados foram interpretados segundo as diretrizes do ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization) / Results were interpreted as described in ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization / ATCC STR Profile Report)

A linhagem enviada para análise é de origem humana, mas o seu perfil não corresponde a nenhuma linhagem padrão presente nos bancos de dados analisados / The submitted sample profile is of human origin, but not a match for any profile in the STR database

A linhagem enviada para análise corresponde exatamente à seguinte linhagem celular humana / The submitted profile is an exact match for the following human cell lines):
LNCaP clone FGC Prostate Carcinoma Human (ATCC:CRL-1740)

O perfil de marcadores da linhagem enviada é similar à(s) seguinte(s) linhagem(s) celular(es) humana(s) / The submitted profile is similar to the following ATCC human cell line(s):

OBSERVAÇÕES / Additional Comments

https://www.atcc.org/en/STR_Database.aspx

Responsável Técnico: Christian Albert Merkel

Email: c.merkel@fm.usp.br